



Morfometría parcial de *Centropomus* (Perciformes: Centropomidae) de las costas de México.

Norma Gabriela Zermeño Herrera¹, Cesar Isaac Nava Gallegos¹, Ernesto Mendoza Vallejo¹ y Catalina Machuca Rodríguez¹

¹ FES Zaragoza, UNAM. baltmon@hotmail.com

Las especies de la familia Centropomidae manifiestan a lo largo de su desarrollo una morfología bastante similar dificultando su reconocimiento y taxonomía, por lo que este trabajo aborda la morfometría lineal para reconocer y comparar variaciones entre 4 de las 12 especies del género *Centropomus*, *C. undecimalis* y *C. parallelus* de Laguna Grande y Laguna Tampamachoco, Veracruz, *C. medius* y *C. robalito* de Laguna de Chacahua, Oaxaca y Laguna Potosí, Guerrero. Los especímenes forman parte de la colección ictiológica de la FES Zaragoza, UNAM. El número de ejemplares para el análisis morfométrico fue de 20 por especie, con longitud patrón de 140 a 190 mm, siendo consideradas 46 variables morfométricas para todo el cuerpo. Las medidas fueron establecidas con base al método de Strauss y Bookstein (1982), denominado red inmovilizadora (TRUSS), los caracteres fueron modificados aplicando el ajuste alométrico para corregir la variación por talla, procediendo a realizar Análisis de Discriminantes.

El análisis permitió identificar variaciones morfométricas que separaran a las especies, siendo la más representativa la longitud de la segunda aleta dorsal a la aleta caudal, al borde posterior del ojo, al final de la mandíbula y al inicio superior de la aleta pectoral, junto con la longitud cefálica y de la mandíbula, la longitud de la aleta anal a la aleta caudal, así como la longitud del occipital al final del opérculo. Estos caracteres morfométricos facilitan la diferenciación entre las especies analizadas siendo un método alternativo más eficaz en la identificación de especies.

Algunas de los caracteres analizados concuerda con aquellos descritos en las claves taxonómicas emitidas por la FAO (2002) Y Castro-Aguirre (1991). Sin embargo, es de gran importancia resaltar que el análisis nos permitió obtener caracteres que no han sido incluidos en claves taxonómicas y que son muy representativos en la separación de las especies analizadas del género, esto por ser discriminantes entre ellas.