



PATRONES DE PFGE DE SEROTIPOS DE salmonella entérica.

Gaspar Morales Romero¹, Juan José Valdez Alarcon¹, Ma. Aida Bejar Ubaldo¹ y Paulina F. Rodríguez Flores¹

¹ Universidad Michoacana de San Nicolás de Hidalgo. gmr_0123@hotmail.com

En este trabajo se desarrolló la caracterización molecular de cepas de Salmonella entérica, mediante la técnica de biología molecular, PFGE. Las colecciones de aislados de S. entérica presentan genotipos diversos que pueden ser determinados por PFGE; los diversos genotipos pueden ser utilizados para el aislamiento de bacteriófagos específicos. Se estandarizó la técnica de Electroforesis en Gel de Campos Pulsados (PFGE) en el equipo CHEF Mapper XR (Biorad), en el Laboratorio Estatal de Salud Pública del estado de Michoacán. La Estrategia experimental del PFGE consistió en realizar el aislado bacteriano, mediante una suspensión celular, preparar las células embebidas en bloques, realizar la lisis, propiciar una digestión enzimática, realizar electroforesis y hacer la fotodocumentación de imágenes para su análisis y realizar la comparación de bandas. Los primeros resultados de patrones de bandas se obtuvieron por la macro-restricción de Xba I de los aislamientos de S. entérica, son poco visibles, ya que el protocolo de la CDC, se encuentra diseñado para un análisis rápido y continuo. Se realizó la estandarización del protocolo inicial del PFGE establecido por la CDC. En el Protocolo de estandarización seguido, se utilizó gel, y en este gel se midieron, la densidad óptica del cultivo, el amortiguador de suspensión celular PIV y concentración de agarosa. En la documentación de imágenes de patrones de PFGE de serotipos de Salmonella entérica, se obtuvieron 8 patrones (pulsotipos) de restricción diferentes. Se concluyó que; El PFGE es viable para caracterización molecular S. entérica con relevancia epidemiológica. Se discriminaron 21 pulsotipos diferentes entre 32 aislados de S. entérica (88% de aislados discriminados), proporcionando un índice de discriminación ($D=0.95$), este nivel de discriminación señala a los serotipos como aislados no relacionados epidemiológicamente, por poseer heterogeneidad genética.