



ANÁLISIS DEL POLIMORFISMO RS822396 DEL GEN ADIPOQ COMO FACTOR DE RIESGO A DESARROLLAR SÍNDROME METABÓLICO EN POBLACIÓN MEXICANA: RESULTADOS PRELIMINAR

Lidia Ariadna Rubio Chávez¹, Keren-Hapuc Lilian Rubio-Chávez¹, Roberto Carlos Rosales-Gómez¹, Julia Leonila Ramos-Núñez¹, Gabriela Camargo Hernández¹, Teresa Arcelia García-Cobian¹, José Sánchez-Corona² y Susan Andrea Gutiérrez-Rubio¹

1 Universidad de Guadalajara, 2 Instituto Mexicano del Seguro Social. ojo_avisor_14@hotmail.com

la glucosa, sensibilidad a la insulina) e inmunológicos (como antiinflamatorios por inhibición transcripcional de NF- κ B). El polimorfismo rs822396 (-3971 A/G) ha sido asociado a los componentes del síndrome metabólico (SM) en poblaciones caucásicas y asiáticas.

Evaluar la asociación del polimorfismo rs822396 con el desarrollo de síndrome metabólico en población Mexicana.

Se han captado personas con sus datos bioquímicos, antropométricos y clínicos. De éstas 74 fueron casos con SM de acuerdo con los criterios (FID), 35 controles (individuos sanos) y 115 individuos de población general (individuos con alguna alteración metabólica, sin llegar a ser SM). Se obtuvo sangre completa de los participantes de la cual se aisló el ADN. La detección del polimorfismo se realizó por PCR-RFLP con enzima MseI que detecta el alelo A. Se realizó electroforesis en poliacrilamida al 6% (29:1) teñida con nitrato de plata.

El 33% de la población mexicana captada tiene SM. La frecuencia del genotipo GG es de 8.12%, 2.86% y 2.6% y del alelo G es de 30%, 17% y 36% en los casos, controles y PG respectivamente. Al realizar el análisis de asociación encontramos que en el modelo dominante GA/GG los individuos portadores con SM tienen una OR de 2.431 ($p= 0.037$, IC: 1.04-5.67) respecto a los controles y 2.112 ($p= 0.0374$, IC: 1.04-5.413) respecto a la PG. El análisis de acuerdo a los alelos mostro que los portadores con SM del alelo G tienen una OR 2.364 ($p= 0.009$, IC: 1.035-4.310) respecto a los controles.

Se encontró una asociación con hasta dos veces el riesgo para el desarrollo de SM en los portadores del alelo G del polimorfismo rs822396 en nuestra población.