



POLIMORFISMOS RS1862513 DE RETN Y RS35749351 DE CAP1 EN MUJERES MEXICANAS CON CÁNCER DE MAMA

Alejandrina Muñoz Palomeque¹, Lidia Ariadna Rubio Chávez¹, Miguel Ángel Guerrero-Ramírez², Roberto Carlos Rosales Gómez¹, María Guadalupe López-Cardona³, Víctor Hugo Barajas Ávila⁴, Juan Carlos Canton-Romero⁴, Héctor Montoya Fuentes⁵, Gabriela Camargo Hernández¹, Teresa Arcelia García Cobián¹ y Susan Andrea Gutierrez-Rubio¹

1 Universidad de Guadalajara, 2 Instituto de Seguridad y Servicios Sociales de los Trabajadores del Estado, 3 Instituto de Seguridad y Servicios Sociales de los Trabajadores del Estado, 4 Instituto Mexicano del Seguro Social, 5 Instituto Mexicano del Seguro Social. alejandrinamunoz@live.com

Las adipocina, resistina, han sido asociada con el cáncer de mama, sin embargo, dicha asociación no ha sido concluyente. Así, también se conoce que resistina actúa directamente sobre las células a través de su receptor CAP1, mediante los cuales pudieran promover la iniciación, promoción y progresión de tumores. En el presente estudio se evaluó la asociación de los SNPs rs1862513 de *RETN* y rs35749351 de *CAP1* con cáncer de mama en mujeres mexicanas.

Las muestras de 100 mujeres con cáncer de mama (MCM) y 105 mujeres sin cáncer como un grupo de referencia (MR) fueron genotipificadas, además de 146 muestras de población general (PG) para determinar equilibrio Hardy-Weinberg (EHW) de cada variante.

Se llevó a cabo PCR-RFLP de cada SNP. Se realizó el diseño de los iniciadores para la PCR con el programa Primer3. La restricción fue evaluada y corroborada en el programa NEBCutter. Se realizó digestión enzimática y se utilizaron: para rs1862513 de *RETN* la enzima BbsI y para rs35749351 de *CAP1* la enzima BtsaI.

Los polimorfismos estudiados se encuentran en EHW. Las frecuencias alélicas para los alelos polimórficos fueron G 26% y A 8% en MCM, G 16% y A 5% en MR y G 15% y A 3% en PG. Las frecuencias en los tres grupos mostraron diferencias estadísticamente significativas. Se encontró un OR de 1.93 en el modelo dominante (CG/GG) del SNPs rs1862513 de *RETN* respecto a las MR y 2.12 respecto a PG así como un OR de 2.57 en el modelo dominante AG/AA de rs35749351 de *CAP1* respecto a la PG.

Los polimorfismos analizados pueden ser marcadores de susceptibilidad para el desarrollo de cáncer de mama en mujeres mexicanas