



## **DETERMINACIÓN DE LA HUELLA GENÉTICA DE CLONES SELECCIONADOS DE *Coffea canephora* P. CON MARCADORES SRAP**

PABLO LOPEZ GOMEZ<sup>1</sup>, LEOBARDO IRACHETA DONJUAN<sup>1</sup>, ISMAEL MENDEZ LOPEZ<sup>1</sup>, CARLOS HUGO AVENDAÑO ARRAZATE<sup>1</sup> y MARIA DEL CARMEN OJEDA ZACARÍAS<sup>2</sup>

1 Instituto Nacional de Investigaciones Forestales Agrícolas y Pecuarias, 2 Universidad Autónoma de Nuevo León.  
lopez.pablo@inifap.gob.mx

El café Robusta (*Coffea canephora* P.) es de importancia por su resistencia a enfermedades, alto contenido de cafeína (3.5 %) y materia prima para la elaboración de café soluble. Para la generación de nuevas variedades, los programas de mejoramiento genético necesitan conocer la distancia genética de los clones seleccionados para dirigir nuevas cruzas o para la obtención de líneas puras. Los marcadores moleculares basados en el polimorfismo amplificado de secuencias relacionadas (SRAP) podría apoyar este fin. Por ello en este trabajo se determinó la distancia genética entre clones seleccionados de café Robusta con iniciadores SRAP. El ADN genómico de los clones INIFAP 95-9, INIFAP 00-24, INIFAP 97-14, INIFAP 00-27, INIFAP 00-28 e INIFAP 97-15 se amplificaron por PCR con el uso de 35 combinaciones SRAP. Las bandas SRAP de igual tamaño y movilidad generadas por la misma combinación para los clones evaluados se trataron como idénticas para ese locus. Se registró la ausencia (0) / presencia (1) de bandas para cada locus y con ello se generó una matriz binaria. Se calculó la similitud genética de Jaccard. Con ello se generó un dendograma mediante el procedimiento UPGMA. Se generaron 509 bandas, de los cuales 476 son polimórficas. El polimorfismo promedio fue de 92.7 %, el contenido de información polimórfica promedio de 0.38 y el poder de resolución por combinación de iniciadores de 8.94 en promedio. La mayor similitud (0.69) se observó entre el INIFAP 97-14 e INIFAP 00-24, y los más distantes (0.18 de similitud) fueron el INIFAP 95-9 al contrastar con el INIFAP 00-24 y el INIFAP 97-14. Se determinó la huella genética con marcadores SRAP y con ello la distancia genética entre clones seleccionados de café Robusta, los cuales serán de utilidad en los trabajos de mejoramiento genético en el que se les incluya como progenitores.