



Expresión de $ITG\beta 1$ en líneas celulares de cáncer cervical

Diana Laura González Tolentino¹, Marco Antonio Leyva Vazquez¹, Miguel Ángel Mendoza Catalan¹, Natividad Sales Linares¹, Berenice Illades Aguiar¹ y Ana Elvira Zacapala Gómez¹

¹ Ciencias Químico-Biológicas, Universidad Autónoma de Guerrero. isabella.dlgt@gmail.com

El cáncer cervical (CC) es el cuarto cáncer más común en mujeres y el séptimo en general, anualmente se presentan 528,000 casos nuevos a nivel mundial y cada año mueren 266,000 personas aproximadamente. En CC se desregulan mecanismos celulares como adhesión celular, un proceso que involucra moléculas de adhesión que se encargan de las uniones célula-célula y célula-matriz extracelular. $ITG\beta 1$ es una proteína que participa principalmente en adhesión célula-matriz extracelular, relacionada en la participación de procesos como migración, invasión y metástasis en células cancerígenas. Estudios demuestran la regulación positiva de la expresión de la proteína en otros tipos de cáncer como carcinoma hepatocelular, cáncer de mama, cáncer de ovario, y carcinoma endometrioide, cáncer de próstata. Este estudio tiene como objetivo evaluar el nivel de expresión de $ITG\beta 1$ en líneas celulares de CC con características diferentes. Se determinó el nivel de expresión de $ITG\beta 1$ en las líneas celulares HeLa, SiHa, C33A y HaCaT mediante Inmunoquímica. Se observó un aumento en la expresión de $ITG\beta 1$ en las líneas celulares SiHa y Hela, en SiHa la expresión es citoplasmática, en Hela nuclear y citoplasmática. En conclusión las líneas celulares cervicales SiHa y HeLa presentan una expresión elevada de $ITG\beta 1$ en comparación con HaCaT, la expresión elevada de $ITG\beta 1$ podría favorecer eventos de adhesión e invasión