



DETECCIÓN DE *Salmonella*, *Shigella* spp. Y *Escherichia* EN MUESTRAS DE ORIGEN HUMANO Y ANIMAL DE COMUNIDADES RURALES DEL ESTADO DE GUANAJUATO

Jaquelina González Castañeda¹, María Micaela Vargas Zúñiga¹, MarthaVerónica Almanza Estrada¹, Enrique Corona Barrera¹ y Elena J López González¹

1 Universidad de Guanajuato. jaquegc1@hotmail.com

Salmonella, *Shigella* y *Escherichia*, tienen una amplia distribución en el mundo y alta incidencia en humanos y animales, principalmente en aves de corral y cerdos. El objetivo fue la detección microbiológica de *Salmonella*, *Shigella* y *Escherichia*, a partir de muestras de humano, animales domésticos y de traspatio, en dos comunidades rurales del estado de Guanajuato. El muestreo se realizó en El Comederito y El Encino, Irapuato, Guanajuato, México. Se tomaron muestras de humano, ave, cerdo y perro. Para la detección microbiológica se utilizaron los medios de cultivo: Agar Eosina-Azul de Metileno (EMB), Agar MacConkey y Agar Xilosa-Lisina-Desoxicolato (XLD). De las 50 muestras de origen humano de ambas comunidades, se obtuvo mayor crecimiento de *Salmonella* y *Shigella* en EMB, *Escherichia* mostró crecimiento similar en ambas comunidades en los tres medios de cultivo. Para las muestras de ave, se observó una mayor detección en EMB (85 a 91%), la menor detección fue en XLD (5 y 9%), para las mismas muestras, la detección de *Escherichia* fue similar en EMB y XLD. En las muestras de cerdo, en El Encino, la detección de *Salmonella* y *Shigella*, fue mayor que El Comederito, en los tres medios de cultivo. La detección de *Escherichia* fue similar en ambas comunidades, cuando se sembró en EMB y XLD. En las muestras de perro, en ambas comunidades se detectó la presencia de *Salmonella* y *Shigella*, en EMB y MacConkey, con respecto a *Escherichia*, el comportamiento fue similar para ambas comunidades en los tres medio de cultivo. De los resultados observados se concluye que en ambas comunidades se detectó la presencia de *Salmonella*, *Shigella* y *Escherichia*, en las muestras de humano, ave, cerdo y perro, lo que indica un riesgo potencial para la salud humana, así mismo, el Agar EMB y MacConkey, mostraron el mayor crecimiento microbiano.