



COMPARACIÓN ENTRE DE DOS MÉTODOS BIOQUÍMICOS Y LA AMPLIFICACIÓN POR PCR DEL MARCADOR Caspp PARA LA IDENTIFICACIÓN DE *Candida* spp

EDUARDO GARCÍA SALAZAR¹, MARÍA DEL ROCÍO REYES-MONTES², MARÍA DEL ROCÍO LÓPEZ ÁLVAREZ³, ESPERANZA DUARTE-ESCALANTE², CONCEPCIÓN CU QUIJANO⁴, ERICK MARTÍNEZ HERRERA², GUSTAVO ACOSTA-ALTAMIRANO⁵ y María Guadalupe Frías De León¹

1 División de Investigación, Hospital Juárez de México, 2 Facultad de Medicina, UNAM, 3 HOSPITAL REGIONAL GRAL. IGNACIO ZARAGOZA, ISSSTE, 4 HOSPITAL JUÁREZ DE MÉXICO, 5 DIRECCIÓN DE FINANZAS, ISSSTE. eduardogs_01@hotmail.com

El incremento en la incidencia de las infecciones causadas por *Candida* spp. en pacientes inmunodeprimidos y la limitada sensibilidad de los métodos de identificación convencional, hacen necesario el desarrollo de métodos alternativos, como la PCR, utilizando marcadores moleculares específicos, para la detección temprana y la identificación de las especies causantes de la enfermedad. El objetivo de este trabajo fue comparar la utilidad del marcador molecular Caspp para identificar aislados clínicos de *Candida* contra métodos convencionales, con base en pruebas bioquímicas, (Vitek II y API20C). Se estudiaron 104 aislados clínicos y ocho cepas de referencia correspondientes a las especies *C. parapsilosis*, *C. tropicalis*, *C. guilliermondii*, *C. lusitaniae*, *C. dubliniensis*, *C. glabrata*, *C. krusei* y *C. albicans*. Los métodos convencionales solo identificaron el 68% de los aislados. El método de PCR permitió identificar el 95% de los aislados y el 5% restante mostró amplicones de tamaño distinto al esperado, por lo que solo a través de la secuenciación de dichos amplicones fueron identificados. Con base en los resultados obtenidos, el marcador Caspp resultó específico para la identificación de aislados de *C. parapsilosis*, *C. tropicalis*, *C. guilliermondii*, *C. lusitaniae*, *C. dubliniensis*, *C. glabrata*, *C. krusei* y *C. albicans*, e incluso, dentro del complejo *C. guilliermondii*, permite diferenciar entre *C. guilliermondii sensu stricto* y *Meyerozyma caribica*.

*Agradecimiento: CONACyT- PDCPN2013-01 (216112).